



**PLATEFORME DE GÉNÉTIQUE DES CANCERS RÉGION BOURGOGNE**  
**SITE C.H.U. DIJON - SERVICE DE PATHOLOGIE - Pr L. MARTIN**



FINES5 210987558

Plateforme Biologie Hospitalo-Universitaire

2, Rue Angélique Ducoudray B.P. 37013 21070 DIJON cedex Tél. 03 80 29 33 01 - Fax. 03 80 29 57 17

**DEMANDE D'EXAMEN DE PATHOLOGIE MOLÉCULAIRE :**

Identification **PATIENT** ou *étiquette patient* si CHU DIJON BOURGOGNE

**Si hors CHU joindre impérativement la fiche administrative ou bulletin de situation du patient**

<b>Nom :</b> <b>Nom de jeune fille :</b> <b>Prénom :</b> Sexe : <input type="checkbox"/> M/ <input type="checkbox"/> F      Date de naissance : --/--/---- Adresse personnelle : Code postal :                      Ville : <b>Numéro Sécurité sociale (obligatoire) :</b> * En l'absence de ces renseignements, votre demande ne pourra être traitée	<i>Étiquette PATIENT</i> <i>si CHU DIJON BOURGOGNE</i>
--	---

Identification PRESCRIPTEUR	Identification PATHOLOGISTE RÉFÉRENT ou tampon
Destinataire du compte-rendu <b>et Établissement à facturer</b> <b>Nom du Prescripteur :</b> Spécialité : <b>Établissement</b> de rattachement du prescripteur à facturer : <input type="checkbox"/> Hôpital <input type="checkbox"/> Établissement privé <input type="checkbox"/> Autre <input type="checkbox"/> Patient Adresse : <p align="center"><b>MERCI DE JOINDRE LA COPIE DE LA DEMANDE</b></p>	Destinataire du compte-rendu <b>Nom / Prénom Dr:</b> Structure : Adresse : Code postal :                      Ville : <b>Adresse email sécurisée :</b>

RENSEIGNEMENTS	ÉCHANTILLONS
<b>Date de prescription / demande :</b>  Date de prochaine visite ou RCP si connue : Date d'envoi :	<i>Merci de joindre le compte-rendu de l'examen</i> <b>N° d'examen :</b> <input type="checkbox"/> bloc(s) envoyé(s) <input type="checkbox"/> échantillons congelés au CRB <input type="checkbox"/> lame(s) HES envoyée(s) :

EXAMEN URGENT → envoyer un mail à : [pathologie.moleculaire@chu-dijon.fr](mailto:pathologie.moleculaire@chu-dijon.fr)

- CANCER DU POU MON METASTATIQUE (Diagnostic )**
- ALK,ROS1, NTRK (3 IHC)                      ZZQX027
  - ALK/ROS1 (FISH)                              A070
  - EGFR 4 exons (exons 18, 19, 20, 21)      N504
  - Forfait mutationnel EGFR, KRAS            N524
  - BRAF V600                                      N501
  - Panel NGS tumeurs solides \*(liste des gènes au dos)    N453
  - Transcrits de Fusion\*\* (liste des gènes au dos)      N452
- CANCER DU POU MON METASTATIQUE (Progression )**
- Nom de la thérapie ciblée : .....
- Mutation connue :
- ciblé EGFR 2 exons (recherche T790M)                      N503
  - + Panel NGS si T790M négatif                      N453
  - Panel NGS tumeurs solides\*                      N453
- CANCER DU COLON/RECTUM METASTATIQUE**
- Forfait mutationnel KRAS/NRAS + BRAF                      N523+N501
  - Statut MSI (patient <60 ans)                      N500
  - +/- Protéines MMR (IHC) si MSI-H                      ZZQX027
  - +/- Méthylation du promoteur de MLH1                      N533
  - Panel NGS tumeurs solides \*
- MÉLANOME METASTATIQUE**
- Forfait mutationnel mélanome BRAF/NRAS                      N525
  - KIT 3 exons                                      N507
  - Panel NGS tumeurs solides \*                      N453
- SUSPICION DE LYMPHOME B / T**
- Clonalité B (FR3, FR2)                      N400
  - Clonalité T (TCR g)                              N404
  - MYD88 (L265P)                              N451
  - Panel NGS lymphopanel \*\*\* (liste des gènes au dos)      N453

- TUMEUR STROMALE**
- KIT/PDGFR A                                      N453
- TUMEUR CÉRÉBRALE**
- Méthylation du promoteur MGMT + BRAF                      N532 + N501
  - CGH    (transmis en cytogénétique)
  - IDH1    N534
  - IDH2    N534
  - Panel NGS tumeurs solides \*                      N453
  - cibles .....
- Statut MSI :**                                      N500
- Suspicion de syndrome de lynch (HNPCC)
  - Chimiothérapie
  - Autres, préciser : .....
- +/- Protéines MMR (IHC)                      ZZQX027
  - +/- BRAF    N501
  - +/- Méthylation du promoteur de MLH1                      N533
- AUTRES :**
- BRAF V600                                      N501/N457
  - PIK3CA ciblé (exons 9 et 20)                      N531
  - BRCA 1/2    (transmis au CGFL)
  - Panel NGS tumeurs solides \*                      N453
  - Panel NGS transcrits de fusion\*\*                      N452
  - Panel NGS lymphopanel \*\*\*                      N453
- contexte : .....
- cibles : .....

CADRE RÉSERVÉ A LA PLATEFORME

Réception le :                      par :                      conforme ? oui /non

Si non, précisez :

Tout document papier n'est qu'une copie. La version applicable est la version électronique du document.

© Document interne, propriété du C.H.U. de Dijon – BMS 8721



**PLATEFORME DE GÉNÉTIQUE DES CANCERS RÉGION BOURGOGNE  
SITE C.H.U. DIJON - SERVICE DE PATHOLOGIE - Pr L. MARTIN**

Plateforme Biologie Hospitalo-Universitaire - 2, Rue Angélique Ducoudray B.P. 37013 21070 DIJON cedex Tél. 03 80 29 33 01 - Fax. 03 80 29 57 17

**INFORMATION COMPLÉMENTAIRE : EXAMEN URGENT**

Dans le cadre d'une demande urgente d'examen sur un cancer du poumon, nous utilisons le système Idylla<sup>®</sup> (N504) afin d'optimiser le délais de rendu du résultat qui comprendra uniquement les exons 18, 19, 20 et 21 du gène EGFR.

**Panels de Gènes analysés par séquençage haut-débit**

**\*Panel de gènes CAPTURE Solid Tumor Solution (STS\_v1) by Sophia Genetics<sup>®</sup>**

42 gènes - 122 régions couvertes - 21,404 bp.

Liste de gènes (exons) séquencés : AKT1 (3), ALK (21-25), BRAF (11,15), CDK4 (2), CDKN2A (1\*,2,3), CTNNB1 (3), DDR2 (17), DICER1 (24,25), EGFR (18-21), ERBB2 (8,17,20), ERBB4 (10,12), FBXW7 (8-12), FGFR1 (12,14), FGFR2 (7,12,14), FGFR3 (7,9,14,16), FOXL2 (1\*),GNA11 (4,5), GNAQ (4,5), GNAS (8), H3F3A(2\*), H3F3B (2\*), HIST1H3B (1),HRAS (2-4), IDH1 (4), IDH2 (4), KIT (8-11,13,17,18), KRAS (2-4), MAP2K1 (2,3),MET (2,14-20) large deletion, MYOD1 (1), NRAS (2-4), PDGFRA (12,14,18), PIK3CA (2\*,3,6\*,8,10,21),PTPN11 (3), RAC1 (3), RAF1 (7,10,12,13\*,14\*,15\*), RET (11,13,15,16), ROS1 (38\*,41\*),SF3B1 (15-17), SMAD4 (8-12), TERT (promoteur\*(mutations C228T et C250T),1\*,8\*,9\*,13\*), TP53 (2-11) \*seulement les « hotspots » mutationnels

Liste des gènes avec évaluation du nombre de copies: ALK, BRAF, CDK4, CDKN2A, EGFR, ERBB2, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, HRAS, KIT, KRAS, MET, MYOD1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, ROS1, RET, SF3B1, TERT and TP53

**\*\* Panel de gènes CAPTURE Solid Tumor Plus Solution by Sophia Genetics<sup>®</sup>**

Version PM\_T1\_T2\_T3\_5.1.59\_r3en

137 transcrits de fusions de gènes pouvant impliquer les gènes *ALK, BRAF, EGFRvIII, FGFR1, FGFR2, FGFR3, NTRK1, NTKR3, PPARG, RET, ROS1* et aussi les sauts d'exon 14 de *MET* et les variants III de *EGFR*

**\*\*\*Panel de gènes CAPTURE Custom Bundle LYMPH Solution (LYMP\_A\_v1) by Sophia Genetics<sup>®</sup>**

51 gènes-368 régions couvertes-91,506 pb. Version PM\_T1\_5.1.21\_r2en DEPUIS JANVIER 2018

Liste de gènes (exons) séquencés : *ARID1, B2M, BCL2, CCND3, CD58, CHD2, CDKN2A, CDKN2B, CIITA, CXCR4, EP300, FOXO1, GNA13, ID3, IRF4, MAL, MEF2B, MLL, MLL2, MYC, MYD88, NFKBIE, PAX5, PIM1, POT1, PRDM1, PTPN1, REL, SOCS1, TNFAIP3, TNFRSF14, TP54, ATM (57-63), BCL6 (8,9), BIRC3 (all, ex.2), BRAF (15), BTK (15), CARD11 (4-9), CCND1 (1), CD79A (4,5), CD79B (5,6), CREBBP (27-30), EZH2 (16, 18), FBXW7 (9, 10), KRAS (2,3), NOTCH1 (34), NOTCH2 (26-28, 34), NRAS (2,3), PLCG2 (17-23), PTEN (5), SF3B1 (14,15), STAT6 (9-14), TCF3 (17-18), XPO1 (15-18)*